Кордзая Е. Л.¹, Кононихин А. С.², Николаев Е. Н.², Васильева Е. Ю.³, Комиссаров А. А.¹

¹ ГБУЗ «Городская клиническая больница им. И. В. Давыдовского

Департамента здравоохранения г. Москвы», Москва, Россия

² АНОО ВО «Сколковский институт науки и технологий», Москва, Россия

³ ФГБОУ ВО «Российский университет медицины» Минздрава РФ, Москва, Россия

ФАКТОРЫ ДОЛГОСРОЧНОГО ПРОГНОЗА РИСКОВ СЕРДЕЧНО-СОСУДИСТЫХ ОСЛОЖНЕНИЙ У ПАЦИЕНТОВ С ОСТРЫМ ИНФАРКТОМ МИОКАРДА НА ОСНОВЕ ПРОТЕОМА ПЛАЗМЫ КРОВИ

Цель	Изучить протеом плазмы крови пациентов с острым инфарктом миокарда (ОИМ) 1-го типа для выявления потенциальных маркеров долгосрочного прогноза рисков развития сердечно-сосудистых осложнений.
Материал и методы	В исследование включены 64 пациента с ОИМ 1-го типа с подъемом и без подъема сегмента ST, которым при поступлении в стационар проводилось первичное чрескожное коронарное вмешательство. В течение 36 месяцев после госпитализации собиралась информация о сердечно-сосудистых осложнениях: смерть от сердечно-сосудистых патологий, повторный ОИМ, инсульт, повторная реваскуляризация миокарда и/или эндартерэктомия. Всем пациентам перед госпитализацией проводили забор периферической крови, с последующим анализом протеома плазмы с помощью хромато-масс-спектрометрии.
Результаты	В течение 36 месяцев после госпитализации у 23 (36%) пациентов были зарегистрированы сердечно-сосудистые осложнения. Эти пациенты вошли в группу с неблагоприятным прогнозом, в то время как оставшиеся пациенты составили группу с позитивным прогнозом. В результате масс-спектрометрического анализа протеома плазмы крови и сравнения групп было выявлено семь дифференциально представленных белков. Также с помощью многофакторного регрессионного анализа, ROC-кривых и моделей Каплана – Мейера было показано, что четыре белка (аполипопротеин С1, фактор Н системы комплемента, ди-N-ацетилхитобиаза и фиколин-2) являются предикторами рисков развития сердечно-сосудистых осложнений в отдаленном периоде. Был разработан интегральный параметр, учитывающий уровни всех четырех вышеуказанных белков в плазме, на основании которого сконструирована модель для оценки рисков неблагоприятного долгосрочного прогноза у пациентов с ОИМ с чувствительностью 87% и специфичностью 78%.
Заключение	Результаты настоящего исследования демонстрируют, что уровни аполипопротеина С1, фактора Н системы комплемента, ди-N-ацетилхитобиазы и фиколина-2 в плазме крови являются надежными прогностическими маркерами для оценки рисков сердечно-сосудистых событий у пациентов с ОИМ в долгосрочной перспективе.
Ключевые слова	Острый инфаркт миокарда; факторы риска; долгосрочный прогноз; масс-спектрометрия; протеомика
Для цитирования	Kordzaya E.L., Kononikhin A.S., Nikolaev E.N., Vasilieva E.J., Komissarov A.A. Factors of Long-Term Prognosis for Cardiovascular Complications in Patients After Acute Myocardial Infarction, Based on the Plasma Proteome. <i>Kardiologiya</i> . 2024;64(12):59–67. [Russian: Кордзая Е.Л., Кононихин А.С., Николаев Е.Н., Васильева Е.Ю., Комиссаров А.А. Факторы долгосрочного прогноза рисков сердечно-сосудистых осложнений у пациентов с острым инфарктом миокарда на основе протеома плазмы крови. <i>Кардиология</i> . 2024;64(12):59–67].
Для цитирования	Комиссаров А.А. E-mail: komissarovlexa@yandex.ru

Введение

Острый инфаркт миокарда (ОИМ) представляет собой критическую форму ишемической болезни сердца, ассоциированную с высоким риском осложнений и смертности. Согласно четвертому универсальному определению выделяют 5 различных патофизиологических механизмов ОИМ. Наиболее часто встречаемым является ОИМ 1-го типа, обусловленный атеротромбозом коронарной артерии. Современные достижения в области чрескожного коронарного вмешательства на инфаркт-

связанной артерии и медикаментозной терапии привели к значительному снижению смертности от ОИМ за последние два десятилетия [1–3]. Однако по-прежнему остается высоким риск развития последующих осложнений [1–3]. В связи с этим актуальным направлением современных биомедицинских прикладных исследований является разработка многофакторных моделей для эффективного прогнозирования рисков развития сердечно-сосудистых событий в отдаленном периоде у пациентов, перенесших ОИМ.

Цель настоящего исследования заключалась в изучении протеома плазмы крови пациентов с ОИМ для выявления потенциальных маркеров долгосрочного прогноза рисков развития сердечно-сосудистых осложнений. Для этого мы проанализировали протеом плазмы периферической крови 64 пациентов с ОИМ, после чего в течение трех лет регистрировали случаи сердечно-сосудистых событий. В результате нами была разработана модель, позволяющая с достаточно высокой точностью оценивать риски неблагоприятного прогноза у пациентов с ОИМ в отдаленном периоде на основании представленности в крови четырех белков: аполипопротеина С1, фактора Н системы комплемента, ди-N-ацетилхитобиазы и фиколина-2.

Материал и методы

В исследование было включено 64 пациента с ОИМ 1-го типа с подъемом и без подъема сегмента ST, которые прошли лечение в Университетской клинике кардиологии ГБУЗ «ГКБ им. И.В. Давыдовского ДЗМ». Исследование было выполнено в соответствии с Хельсинкской декларацией Всемирной медицинской ассоциации «Этические принципы проведения научных медицинских исследований с участием человека» с поправками 2000 г. и «Правилами клинической практики в Российской Федерации», утвержденными Приказом Минздрава РФ от 19.06.2003 г. № 266, и одобрено локальным этическим комитетом. Все пациенты, включенные в исследование, подписали информированное согласие на участие. Критериями невключения являлись кардиогенный шок, наличие онкологических заболеваний (как в момент включения, так и в анамнезе), ВИЧ-инфекция, нежелание подписывать информированное согласие.

Всем участникам исследования были проведены физикальный осмотр, инструментальное обследование и стандартный набор лабораторных исследований (общий анализ крови, биохимический анализ крови). Также был произведен забор венозной крови при госпитализации до оперативного вмешательства с последующим выделением и криоконсервацией плазмы. В качестве метода реваскуляризации миокарда всем пациентам выполнялось стентирование только инфаркт-связанной коронарной артерии. При выписке пациентам назначалась медикаментозная терапия в соответствии с Российскими и Европейскими клиническими рекомендациями [4–8].

Всем участникам исследования проводился таргетный протеомный анализ плазмы периферической крови с использованием тандемной жидкостной хромато-масс-спектрометрии (ВЭЖХ-МС) с применением метода мониторинга множественных реакций (MRM). Для MRM-анализа были использованы параметры и синтетические пептидные стандарты, ранее валидированные для количественного анализа. Образцы были проанализированы в двух повторах с помощью ВЭЖХ-МС системы ExionLC™

Центральная иллюстрация. Факторы долгосрочного прогноза рисков сердечно-сосудистых осложнений у пациентов с острым инфарктом миокарда на основе протеома плазмы крови

UHPLC, сопряженной с тройным квадрупольным масс-спектрометром SCIEX QTRAP 6500+. Разделение ВЭЖХ проводили на C18 колонке Zorbax Eclipse Plus (150×2,1 мм, 1,8 мкм; Agilent) с градиентным элюированием. Для анализа ВЭЖХ-МС данных использовали программное обеспечение Skyline (версия 20.2.0.343).

Статистический анализ проводился в программе R версии 4.4.1. Количественные показатели представлены в виде медианы и межквартильного интервала, если не указано иное. Для сравнения групп использовался критерий Манна-Уитни, сравнение категориальных показателей осуществлялось с помощью точного критерия Фишера. Совместное влияние исследуемых факторов оценивалось с помощью многофакторного логистического регрессионного анализа с расчетом отношения шансов (ОШ) вероятности события и 95% доверительного интервала (ДИ). Прогностическая эффективность факторов оценивалась с использованием анализа ROC-кривых, оценки площади под кривой (AUC), чувствительности и специфичности, а также используя модели Каплана-Майера. Критическим уровнем статистической значимости принималось значение 0,05.

Результаты

В настоящее исследование были включены пациенты с ОИМ 1-го типа с подъемом и без подъема сегмента ST, у которых в течение 36 месяцев после госпитализации оценивали сердечно-сосудистые события. Среди участников исследования у 36% пациентов было зарегистрировано наступление комбинированной конечной точки: смерть от сердечно-сосудистых событий, повторный ОИМ, инсульт,

реваскуляризация миокарда или эндартерэктомия. Стоит отметить, что все операции, проведенные в период наблюдения и включенные в состав комбинированной конечной точки, были либо осуществлены по экстренным показаниям, либо проведены в результате прогрессирования атеросклероза и возникновения показаний, отсутствовавших в нача-

ле наблюдения. Соответственно, участники исследования были разделены на две группы: с позитивным (отсутствие комбинированной конечной точки в период наблюдения) и неблагоприятным (наличие комбинированной конечной точки) прогнозом. Мы не обнаружили статистически достоверных различий между группами по таким факторам, как

Таблица 1. Характеристика когорты исследования

Параметр	Все участники (N = 64)	Неблагоприятный прогноз (N = 23)	Позитивный прогноз (N = 41)	P
Общие				
Возраст, лет	66 (56-76)	66 (56-77)	65 (57-75)	0,812
Пол, кол-во (%) муж	41 (64)	15 (65)	26 (63)	0,892
ИМТ, кг/см ²	28,1 (24,4-32,1)	28,1 (24,2-30,0)	28,4 (24,6-33,2)	0,519
Курение, кол-во (%)	34 (53)	11 (48)	24 (58,5)	0,541
Сахарный диабет, кол-во (%)	13 (20)	3 (13)	10 (24)	0,346
Хроническая болезнь почек, кол-во (%)	3 (5)	1 (4)	2 (5)	1,000
Диагноз				
ОИМпСТ, кол-во (%)	43 (67)	17 (74)	26 (63)	0,422
ОИМбпСТ, кол-во (%)	21 (33)	6 (26)	15 (37)	
ФВЛЖ, %	54 (44-60)	53 (33-57,5)	54 (48-60)	0,104
ОИМ в анамнезе, кол-во (%)	20 (31)	8 (35)	12 (29)	0,780
Медикаментозная терапия				
Ацетилсалициловая кислота, кол-во (%)	48 (75)	18 (78)	30 (73)	0,768
НОАК, кол-во (%)	16 (25)	5 (22)	11 (27)	0,768
иАПФ, кол-во (%)	43 (67)	11 (48)	32 (78)	0,025
БРА, кол-во (%)	15 (23)	6 (26)	9 (22)	0,764
Селективные бета 1-адреноблокаторы, кол-во (%)	48 (75)	16 (70)	32 (78)	0,551
Ингибиторы P2Y12 рецепторов тромбоцитов, кол-во (%)	64 (100)	23 (100)	41 (100)	1,000
Статины, кол-во (%)	63 (98)	22 (97)	41 (100)	0,359
Параметры крови				
АЧТВ, сек	26,5 (22,2-30,8)	26,9 (21,2-33,1)	25,6 (23,3-29,1)	0,618
Протромбиновое время, сек	11,1 (10,6-12,5)	11,4 (11,0-13,1)	11,0 (10,5-11,9)	0,063
МНО	1,1 (1,0-1,1)	1,1 (1,0-1,2)	1,1 (1,0-1,1)	0,065
ХС - ЛПНП, мМ	3,3 (2,3-4,0)	3,1 (2,2-3,4)	3,4 (2,7-4,1)	0,119
ХС - ЛПВП, мМ	1,3 (1,0-1,5)	1,3 (1,1-1,4)	1,3 (1,0-1,5)	0,471
Триглицериды, мМ	1,5 (1,0-2,1)	1,2 (1,1-1,7)	1,6 (0,9-2,2)	0,220
ХС - ЛПНП в период наблюдения, мМ	1,9 (1,4-2,6)	2,3 (2,0-3,2)	1,6 (1,2-2,5)	0,011
СОЭ, мм/ч	16,0 (9,3-37,5)	22,0 (8,0-53,0)	16,0 (9,5-29,0)	0,470
Гемоглобин, г/л	136,0 (124,0-153,3)	131,0 (120,5-141,0)	139,0 (126,0-156,0)	0,127
Тромбоциты, 10 ⁹ /л	251 (202-312)	282 (234-322)	237 (186-299)	0,052
Калий, ммоль/л	4,1 (3,8-4,3)	4,0 (3,9-4,2)	4,1 (3,8-4,3)	0,246
Креатинин, мкмоль/л	96,0 (79,5-116,5)	102,0 (84,5-125,0)	94,0 (77,0-112,0)	0,320
Общий билирубин, мкмоль/л	9,8 (6,9-12,9)	10,4 (7,9-12,8)	9,3 (6,6-12,6)	0,639
АЛТ, ЕД/л	31,0 (23,8-48,0)	25,0 (19,5-39,5)	32,0 (25,0-48,0)	0,181
АСТ, ЕД/л	28,0 (23,5-70,5)	25,0 (21,0-50,5)	34,0 (24,0-72,0)	0,134

ИМТ – индекс массы тела; ОИМпСТ – острый инфаркт миокарда с подъемом сегмента ST; ОИМбпСТ – острый инфаркт миокарда без подъема сегмента ST; ФВЛЖ – фракция выброса левого желудочка; НОАК – не-витамин К-зависимые пероральные антикоагулянты; иАПФ – ингибиторы ангиотензинпревращающего фермента; БРА – блокаторы рецепторов к ангиотензину II; АЧТВ – активированное частичное тромбoplastинное время; МНО – международное нормализованное отношение; ХС – ЛПНП – холестерин в фракции липопротеинов низкой плотности; ХС – ЛПВП – холестерин в фракции липопротеинов высокой плотности; СОЭ – скорость оседания эритроцитов; АЛТ – аланинаминотрансфераза; АСТ – аспартатаминотрансфераза.

возраст, пол, индекс массы тела, курение, наличие сахарного диабета и ОИМ в анамнезе, а также по результатам лабораторных анализов крови при первичной госпитализации (табл. 1). Эти факторы также не показали статистически значимой ассоциации с неблагоприятными прогнозами при многофакторном регрессионном анализе (табл. 2).

В рамках данного исследования мы проанализировали уровни холестерина липопротеинов низкой плотности (ХС-ЛПНП) среди участников исследования в период наблюдения после госпитализации. В связи с тем, что пациенты после перенесенного ОИМ проходили амбулаторное наблюдение в медицинских учреждениях в других регионах, нам удалось собрать данные об уровнях ХС-ЛПНП не для всех пациентов, но для большинства – 52 пациентов (81% от общей популяции). Для данного анализа мы использовали значения, наиболее близкие к дате конечной точки или концу периода наблюдения. Нами было показано, что пациенты с неблагоприятными прогнозами характеризовались более высокими значениями ХС-ЛПНП

в период наблюдения (табл. 1 и 2). Несмотря на то, что все пациенты, кроме одного (из-за личного отказа), получали терапию высокоинтенсивными статинами, только у 13 (25%) пациентов показатели ХС-ЛПНП достигли целевых значений (менее 1,4 ммоль/л). Полученные данные согласуются с результатами, характерными для монотерапии статинами [9].

Дополнительно, при анализе назначенной медикаментозной терапии мы обнаружили статистически значимую разницу между группами в частоте назначения ингибиторов ангиотензинпревращающего фермента (иАПФ) (табл. 1). Многофакторный регрессионный анализ медикаментозной терапии продемонстрировал, что как назначение иАПФ, так и блокаторов рецепторов к ангиотензину II (БРА) было ассоциировано с позитивным прогнозом у пациентов с ОИМ в отдаленном периоде (табл. 2). Необходимо отметить, что среди пациентов, включенных в исследование, шесть человек не получали ни иАПФ, ни БРА в связи с противопоказаниями. Мы провели многофакторный регрессионный ана-

Таблица 2. Параметры многофакторного логистического регрессионного анализа традиционных факторов риска прогрессирования атеросклероза и медикаментозной терапии

Фактор	Коэффициент β	СО	ОШ	95% ДИ	p
Традиционные факторы риска					
Возраст	-0,864	0,021	0,982	0,943-1,023	0,388
Пол	0,777	0,573	1,561	0,508-4,796	0,437
Курение	-0,883	0,292	0,773	0,436-1,370	0,377
Индекс массы тела	-0,829	0,043	0,965	0,888-1,050	0,407
Сахарный диабет	-1,016	0,772	0,456	0,101-2,072	0,309
Липидный профиль					
Общий холестерин	0,230	10,914	12,294	6,3·10 ⁻⁹ -2,4·10 ¹⁰	0,818
ХС - ЛПНП	0,218	10,885	10,749	5,8·10 ⁻⁹ -1,9·10 ¹⁰	0,827
ХС - ЛПВП	0,051	4,924	1,283	8,2·10 ⁻⁵ -2,0·10 ⁴	0,960
Триглицериды	-0,286	10,791	0,046	3,0·10 ⁻¹¹ -7,0·10 ⁷	0,775
ХС – ЛПНП в период наблюдения	3,229	0,456	4,353	1,783-10,630	0,001
Медикаментозная терапия					
Ацетилсалициловая кислота	-0,003	5031	1,9·10 ⁻⁷	–	0,997
НОАК	-0,003	5031	1,1·10 ⁻⁷	–	0,997
иАПФ	-4,526	0,535	0,089	0,031-0,254	<0,001
БРА	-3,228	0,595	0,147	0,046-0,471	0,002
Статины	-1,688	1,192	0,133	0,013-1,382	0,091
Селективные бета 1-адреноблокаторы	-1,016	0,498	0,603	0,227-1,600	0,310
Блокаторы РААС против отсутствия терапии					
Отсутствие терапии блокаторами РАСС	3,184	0,588	6,507	2,054-20,613	0,002
иАПФ	-0,937	0,508	0,621	0,229-1,681	0,349
БРА	0,937	0,508	1,610	0,595-4,353	0,349

СО – стандартная ошибка, ОШ – отношение шансов наступления события, ДИ – доверительный интервал, НОАК – не-витамин К-зависимые пероральные антикоагулянты, иАПФ – ингибиторы ангиотензинпревращающего фермента, БРА – блокаторы рецепторов к ангиотензину II типа, РААС – ренин-ангиотензин-альдостероновая система.

Таблица 3. Белки плазмы крови, различающиеся между группами

Белок	Общепринятое сокращение	Значение в группе с неблагоприятным прогнозом	Значение в группе с позитивным прогнозом	P
Понижены в группе с неблагоприятным прогнозом				
Аполипопротеин С1	apoC-I	454,9 (361,5-585,8)	625,0 (482,6-752,4)	0,0038
Фактор Н системы комплемента	CFH	90,2 (74,4-110,3)	111,4 (87,5-135,7)	0,0464
Ди-N-ацетилахитобиаза	CTBS	1,7 (1,2-2,3)	2,4 (2,0-3,2)	0,0005
Серотрансферрин	TF	1369,6 (1275,2-1563,7)	1540,2 (1377,5-1860,6)	0,0147
Параоксоназа 1	PON1	809,0 (670,7-967,0)	997,0 (786,1-1130,4)	0,0464
Повышены в группе с неблагоприятным прогнозом				
С4 компонент системы комплемента	С4	1002,5 (829,4-1202,6)	814,1 (617,9-1013,7)	0,0464
Фиколин-2	FCN2	2,3 (1,7-3,1)	1,6 (1,0-2,6)	0,0283

лиз, в ходе которого оценили влияние на прогноз назначения ИАПФ/БРА и отсутствия терапии данными препаратами. В результате анализа мы обнаружили, что статистически значимо на отдаленный прогноз у пациентов с ОИМ влияет только отсутствие терапии блокаторами ренин-ангиотензин-альдостероновой системы (РААС), а не конкретный препарат (табл. 2). Кроме того, согласно полученным данным, отсутствие терапии ингибиторами РААС характеризуется значительно большим β коэффициентом, что указывает на более сильное влияние данного параметра в рамках регрессионной модели.

Таким образом, среди классических факторов риска прогрессирования атеросклероза мы выявили статистически значимую ассоциацию с неблагоприятным прогнозом у пациентов с ОИМ для таких параметров как наличие терапии блокаторами РААС и уровень ХС-ЛПНП в период наблюдения.

У всех участников исследования мы также проанализировали представленность широкого спектра белков в плазме периферической крови с помощью хромато-масс-спектрометрии. В результате обработки полученных данных семь белков продемонстрировали статистически значимую разницу между группами с различными прогнозами (табл. 3). При этом пять белков – apoC-I, CFH, CTBS, TF и PON1 (здесь и далее используются общепринятые сокра-

щения белков согласно таблице 3) – оказались понижены, а два белка – С4 и FCN2 были повышены в группе с неблагоприятным прогнозом.

На следующем этапе мы провели многофакторный логистический регрессионный анализ для оценки вклада белков, показавших статистически значимые различия между группами, в риски развития сердечно-сосудистых событий. Данный анализ выполнялся поэтапно, с исключением из анализа на каждом этапе белков, вклад которых оценивался как незначимый ($p > 0,1$). В результате анализа было обнаружено, что из семи белков только четыре являются потенциальными независимыми предикторами неблагоприятного прогноза у пациентов с ОИМ (табл. 4): apoC-I, CFH, CTBS и FCN2. Согласно полученной модели, наибольшим вкладом в неблагоприятный прогноз характеризуются белки CTBS и FCN2, которые при этом имеют разнонаправленные эффекты – шансы сердечно-сосудистых событий возрастают с уменьшением уровня CTBS (отношение шансов наступления события (ОШ) 0,30 при 95% доверительном интервале (ДИ) 0,13-0,69) и увеличением уровня FCN2 (ОШ 1,70 при 95% ДИ: 1,11-2,63) в плазме крови.

Далее, с помощью построения и анализа ROC-кривых для каждого белка были определены пороговые значения представленности в плазме, позволяющие наиболее эф-

Таблица 4. Параметры многофакторного логистического регрессионного анализа

Белок (сокращение)	Коэффициент β	СО	ОШ	95% ДИ	p
Аполипопротеин С1 (apoC-I)	-2,628	0,001	0,996	0,993-0,999	0,008
Фактор Н системы комплемента (CFH)	2,032	0,003	1,001	1,000-1,014	0,042
Ди-N-ацетилахитобиаза (CTBS)	-2,844	0,426	0,297	0,129-0,686	0,004
Фиколин-2 (FCN2)	2,435	0,220	1,709	1,110-2,632	0,015
Белки, исключенные из регрессионного анализа (при $p > 0,1$)					
С4 компонент системы комплемента (С4)	0,107	0,001	1	0,999-1,0028	0,915
Серотрансферрин (TF)	-1,358	0,001	0,999	0,999-1,001	0,175
Параоксоназа 1 (PON1)	-1,363	0,001	0,999	0,999-1,001	0,173

СО – стандартная ошибка, ОШ – отношение шансов наступления события, ДИ – доверительный интервал.

Рисунок 1. Оценка прогнозирования рисков сердечно-сосудистых событий на основе белков плазмы крови

Верхняя панель: ROC-кривые белков apoC-I, CFH, CTBS и FCN2. AUC – площадь под кривой. Красной точкой обозначено значение представленности белка, выбранное в качестве оптимального порога. Нижняя панель: кривые Каплана–Мейера для белков apoC-I, CFH, CTBS и FCN2. В качестве порогового выбрано оптимальное значение исхода из анализа ROC-кривых. Зеленые и красные цифры отражают число участников под наблюдением в данный период времени.

эффективно прогнозировать неблагоприятный исход. Достоверность выявленных порогов оценивалась по кривым Каплана–Мейера. Было показано, что уровни белков apoC-I, CFH, CTBS и FCN2 в плазме крови являются предикторами неблагоприятного прогноза у пациентов с ОИМ в отдаленном периоде (рис. 1). При этом по отдельности каждый белок характеризуется невысокими значениями площади под ROC-кривой (area under curve, AUC) – в диапазоне от 0,65 до 0,76, и либо удовлетворительной специфичностью (apoC-I и CTBS), либо удовлетворительной чувствительностью (CFH и FN2) (табл. 5).

Чтобы повысить качество прогнозирования, мы разработали интегральный параметр, который учитывает представленность всех четырех белков. Разработанная прогностическая модель характеризуется более высокими показателями качества: AUC – 0,79, чувствительность – 87%, специфичность – 78% (рис. 2). Таким образом, полученные результаты указывают на то, что анализ совокупной представленности в плазме крови белков apoC-I, CFH, CTBS и FCN2 является достаточно эффективным подходом для оценки рисков

Таблица 5. Показатели качества моделей прогнозирования рисков сердечно-сосудистых событий на основе белков плазмы крови

Белок (сокращение)	AUC	Чувствительность, %	Специфичность, %
Аполипопротеин C1 (apoC-I)	0,72	61	78
Фактор Н системы комплемента (CFH)	0,65	70	59
Ди-N-ацетилхитобиаза (CTBS)	0,76	65	85
Фиколин-2 (FCN2)	0,67	82	49

AUC – площадь под ROC-кривой.

сердечно-сосудистых событий у пациентов с ОИМ в отдаленном периоде. Дополнительно мы показали, что разработанный интегральный параметр является прогностическим маркером, который не зависит от выявленных в нашей популяции статистически значимых факторов риска развития сердечно-сосудистых событий – отсутствия терапии блокаторами РААС и уровней ХС-ЛПНП в период наблюдения (табл. 6).

Таблица 6. Параметры многофакторного логистического регрессионного анализа интегрального параметра на основе уровней белков apoC-I, CFH, CTBS и FCN2 в плазме и классических факторов риска прогрессии атеросклероза

Белок (сокращение)	Коэффициент β	СО	ОШ	95% ДИ	p
apoC-I+CFH+CTBS+FCN2	-2,565	0,056	0,866	0,776-0,967	0,010
Отсутствие терапии блокаторами РАСС	3,244	0,748	11,323	2,613-49,070	0,002
ХС – ЛПНП в период наблюдения	2,836	0,250	2,033	1,245-3,319	0,005

СО – стандартная ошибка, ОШ – отношение шансов наступления события, ДИ – доверительный интервал.

Рисунок 2. Оценка прогнозирования рисков сердечно-сосудистых событий с помощью комбинации белков apoC-I, CFH, CTBS и FCN2

Верхняя панель: ROC-кривая для интегрального параметра. AUC – площадь под кривой. Красной точкой обозначено значение, выбранное в качестве оптимального порога. Нижняя панель: кривые Каплана–Мейера для интегрального параметра. В качестве порогового выбрано оптимальное значение исходя из анализа ROC-кривых. Зеленые и красные числа отражают количество участников под наблюдением в данный период времени.

Обсуждение

Цель настоящего исследования заключалась в поиске предикторов неблагоприятного прогноза у пациентов с ОИМ 1-го типа с подъемом и без подъема сегмента ST на основе протеома плазмы крови. Для этого была проанализирована выборка из 64 пациентов, которые наблюдались в течение трех лет после включения в исследование и реваскуляризации миокарда. В период наблюдения наступление комбинированной конечной точки по классу сердечно-сосудистой патологии (смерть, повторный ОИМ, инсульт, повторная реваскуляризация миокарда, эндартерэктомия) регистрировалось примерно у трети участников исследова-

ния. Согласно данным литературы частота возникновения осложнений в отдаленном периоде в нашей выборке соответствует частоте, выявленной в других центрах по всему миру [10–13]. Мы не обнаружили статистически значимых различий между группами с позитивным и неблагоприятным прогнозом по таким факторам, как возраст, пол, индекс массы тела, курение, наличие сахарного диабета и ОИМ в анамнезе, липидный профиль на момент развития ОИМ. По-видимому, в первую очередь этот факт связан с относительно небольшим размером выборки, поскольку данные параметры демонстрируют статистическую значимость, как правило, на гораздо больших выборках (подробно обсуждается в [14]). Однако цель настоящего исследования состояла в поиске предикторов рисков неблагоприятного исхода, которые не будут зависеть от общепринятых факторов риска и потенциально будут эффективно работать на любых выборках пациентов.

В ходе работы мы проанализировали протеом плазмы периферической крови участников исследования. Для этого мы применили таргетный протеомный анализ с использованием жидкостной хроматографии–тандемной масс-спектрометрии с мониторингом множественных реакций. Преимущества этого подхода включают хорошую воспроизводимость данных, а также его совместимость с тройными квадрупольными масс-спектрометрами, которые являются наиболее распространенными приборами в клинических лабораториях. В текущем исследовании мы использовали протокол подготовки образцов, в котором отсутствует процедура удаления основных белков (т.н. процедура «истощения»), что является важным преимуществом для потенциальных крупномасштабных клинических исследований, поскольку это не только упрощает подготовку образцов, но и сокращает время анализа и повышает воспроизводимость результатов.

В результате анализа и сравнения протеома плазмы крови в группах с позитивным и неблагоприятным прогнозом мы выявили четыре белка, которые являются предикторами сердечно-сосудистых осложнений: аполипопротеин С1 (apoC-I), фактор Н системы комплемента (CFH), ди-N-ацетилхитобиаза (CTBS) и фиколин-2 (FCN2). Данные белки ранее уже рассматривались как потенциальные диагностические или прогностические биомаркеры, однако главным образом в контексте онкологических заболеваний. Так, apoC-I, участвующий в метаболизме триглицеридов и холестерина и ассоциированный с фракциями липопротеинов высокой плотности и липопротеинов очень низкой плотности в крови [15], гиперэкспрессирован на уровне белка и/или РНК в опухолевой ткани и плазме крови при раке молочной железы [16], желудка [17], шейки матки [18] и светлоклеточного рака почки [19]. Помимо этого, известно, что уровни представленности различных изоформ apoC-I в плазме крови и спинномозговой жидкости коррелируют

с консенсусными биомаркерами болезни Альцгеймера [20], что позволяет рассматривать их, как маркеры нейродегенеративных заболеваний. Лизосомальный фермент CTBS, участвующий в деградации гликопротеинов [21], может рассматриваться как фактор стадирования опухоли: снижение его уровня в крови связано с прогрессированием рака поджелудочной железы [22]. FCN2, белок плазмы крови, обеспечивающий лектин-зависимую активацию системы комплемента [23], повышен в плазме крови при раках яичника [24], а также при гепатите С [25]. Прогрессирование гепатоцеллюлярной карциномы при хронической инфекции вирусом гепатита С сопровождается повышением связывания FCN2 в плазме [26]. При этом жировая дистрофия печени связана с последовательным снижением уровня фиколина-2 в крови в зависимости от стадии фиброза [27]. Белок CFH детектируется в моче пациентов при раке мочевого пузыря [28, 29], а его уровень в спинномозговой жидкости и плазме крови является фактором стадирования и прогноза при нейродегенеративных заболеваниях (болезни Альцгеймера и множественном склерозе) [30–32]. В нашем же исследовании впервые было показано, что уровни вышеупомянутых белков в плазме статистически значимо ассоциированы с риском развития сердечно-сосудистых событий в отдаленном периоде у пациентов, перенесших ОИМ.

Стоит отметить, что в настоящем исследовании показатели липидного профиля крови при госпитализации, такие как уровни общего холестерина, ХС-ЛПНП, ХС-ЛПВН и триглицеридов, не показали себя как маркеры отдаленного прогноза у пациентов с ОИМ. Из проанализированных параметров липидного профиля только уровни ХС-ЛПНП в период наблюдения продемонстрировали статистически значимую ассоциацию с неблагоприятным прогнозом. В то же время для белка apoC-I, участвующего в обмене холестерина в организме, было показано, что его представленность в плазме при госпитализации является независимым прогностическим маркером. Возможным объяснением наблюдаемого различия является тот факт, что автоматические анализаторы оценивают общую популяцию ХС-ЛПНП/ЛПВП и общий холестерин, в то время как apoC-I может быть представлен в некой специфической популяции липопротеинов, которая и коррелирует с отдаленными прогнозами у пациентов с ОИМ.

Анализ индивидуальных ROC-кривых четырех белков показал, что два белка лучше выявляют пациентов с неблагоприятным прогнозом, тем самым демонстрируя высокую чувствительность, а два, наоборот, лучше выявляют пациентов с позитивным прогнозом, таким образом демонстрируя высокую специфичность. Исходя из параметров индивидуальных прогностических моделей, становится очевидным путь к оптимизации и повышению качества прогноза – комбинирование анализа данных белков, что теоретически должно приводить к кумулятивному эф-

фекту. Действительно, разработанный нами интегральный параметр, который учитывает уровни в плазме крови всех четырех белков, демонстрирует значительно более высокую эффективность предсказания наступления сердечно-сосудистых событий у пациентов с ОИМ, с чувствительностью 87% и специфичностью 78%, что является достаточно высокими показателями. К тому же данный параметр не зависит от уровней ХС-ЛПНП, достигаемых на фоне монотерапии статинами, и от наличия терапии блокаторами ренин-ангиотензин-альдостероновой системы.

Необходимо оговориться, что настоящее исследование обладает рядом ограничений. Во-первых, как уже упоминалось выше, работа выполнена на относительно небольшой выборке пациентов. В этой связи качество разработанной модели прогнозирования рисков развития сердечно-сосудистых осложнений у пациентов с ОИМ необходимо уточнить на расширенной выборке пациентов. Тем не менее полученные результаты и уровни их статистической значимости позволяют предположить, что обнаруженные закономерности достаточно ярко выражены, а потому могут быть выявлены даже на относительно небольшой выборке образцов. Во-вторых, все участники исследования проходили лечение ОИМ в одном центре путем первичного чрескожного коронарного вмешательства. Это означает, что полученные результаты, вероятно, потребуют коррекции для других центров, у которых отличается количество и тип проводимых операций по реваскуляризации миокарда.

Заключение

Оценка совокупной представленности белков аполипопротеина С1, фактора Н системы комплемента, ди-N-ацетилхитобиазы и фиколина-2 в плазме крови пациентов с ОИМ при госпитализации позволяет прогнозировать риск развития сердечно-сосудистых событий в отдаленном постинфарктном периоде с чувствительностью 87% и специфичностью 78%. Полученные результаты могут способствовать более эффективному управлению рисками возникновения осложнений у пациентов с ОИМ, приводя к снижению летальности данного заболевания и повышению качества жизни пациентов. Однако для этого полученные данные нуждаются в валидации в более крупных многоцентровых исследованиях.

Финансирование

Исследование поддержано грантом Правительства Москвы на реализацию научно-практического проекта в медицине № 2312-29/22.

Конфликт интересов не заявлен.

Статья поступила 30.10.2024

- Martin SS, Aday AW, Almarzooq ZI, Anderson CAM, Arora P, Avery CL et al. 2024 Heart Disease and Stroke Statistics: A Report of US and Global Data From the American Heart Association. *Circulation*. 2024;149(8):e347–913. DOI: 10.1161/CIR.0000000000001209
- Lee SH, Hong YJ, Ahn Y, Jeong MH. Past, Present, and Future of Management of Acute Myocardial Infarction. *Journal of Cardiovascular Intervention*. 2023;2(2):51–65. DOI: 10.54912/jci.2022.0023
- Moras E, Yakkali S, Gandhi KD, Virk HUH, Alam M, Zaid S et al. Complications in Acute Myocardial Infarction: Navigating Challenges in Diagnosis and Management. *Hearts*. 2024;5(1):122–41. DOI: 10.3390/hearts5010009
- Ibanez B, James S, Agewall S, Antunes MJ, Bucciarelli-Ducci C, Bueno H et al. 2017 ESC Guidelines for the management of acute myocardial infarction in patients presenting with ST-segment elevation: The Task Force for the management of acute myocardial infarction in patients presenting with ST-segment elevation of the European Society of Cardiology (ESC). *European Heart Journal*. 2018;39(2):119–77. DOI: 10.1093/eurheartj/ehx393
- Williams B, Mancia G, Spiering W, Agabiti Rosei E, Azizi M, Burnier M et al. 2018 ESC/ESH Guidelines for the management of arterial hypertension. *European Heart Journal*. 2018;39(33):3021–104. DOI: 10.1093/eurheartj/ehy339
- Collet J-P, Thiele H, Barbato E, Barthélémy O, Bauersachs J, Bhatt DL et al. 2020 ESC Guidelines for the management of acute coronary syndromes in patients presenting without persistent ST-segment elevation. *European Heart Journal*. 2021;42(14):1289–367. DOI: 10.1093/eurheartj/ehaa575
- Ministry of Health of Russian Federation. Clinical recommendations. Acute coronary syndrome with ST segment elevation electrocardiogram. Av. at: https://cr.minzdrav.gov.ru/recomend/157_2. 2020. [Russian: Министерство Здравоохранения Российской Федерации. Клинические рекомендации. Острый коронарный синдром с подъемом сегмента ST электрокардиограммы. 2020 год. Доступно на: https://cr.minzdrav.gov.ru/recomend/157_2]
- Ministry of Health of Russian Federation. Clinical recommendations. Acute coronary syndrome without ST segment elevation electrocardiogram. Av. at: https://cr.minzdrav.gov.ru/recomend/157_3. 2020. [Russian: Министерство Здравоохранения Российской Федерации. Клинические рекомендации. Острый коронарный синдром без подъема сегмента ST электрокардиограммы. 2020 год. Доступно на: https://cr.minzdrav.gov.ru/recomend/157_3]
- Ezhov MV, Sergienko IV, Kryzhanovskiy SM, Manko KS, Timoshina EV. Comparative Efficacy and Safety of Statin Monotherapy and Statin plus Ezetimibe Combination in a Real-World Setting. *Diseases*. 2023;11(4):168. DOI: 10.3390/diseases11040168
- Yao J, Xie Y, Liu Y, Tang Y, Xu J. Prediction Factors of 6-Month Poor Prognosis in Acute Myocardial Infarction Patients. *Frontiers in Cardiovascular Medicine*. 2020;7:130. DOI: 10.3389/fcvm.2020.00130
- Huang Y, Zhang Q, Li P, Chen M, Wang R, Hu J et al. The prognostic nutritional index predicts all-cause mortality in critically ill patients with acute myocardial infarction. *BMC Cardiovascular Disorders*. 2023;23(1):339. DOI: 10.1186/s12872-023-03350-4
- Byeon J, Choo EH, Choi IJ, Lee KY, Hwang B-H, Kim CJ et al. Office-Visit Heart Rate and Long-Term Cardiovascular Events in Patients with Acute Myocardial Infarction. *Journal of Clinical Medicine*. 2023;12(11):3734. DOI: 10.3390/jcm12113734
- Abu-Assi E, López-López A, González-Salvado V, Redondo-Diéguez A, Peña-Gil C, Bouzas-Cruz N et al. The Risk of Cardiovascular Events After an Acute Coronary Event Remains High, Especially During the First Year, Despite Revascularization. *Revista Española de Cardiología (English Edition)*. 2016;69(1):11–8. DOI: 10.1016/j.rec.2015.06.015
- Bays HE, Taub PR, Epstein E, Michos ED, Ferraro RA, Bailey AL et al. Ten things to know about ten cardiovascular disease risk factors. *American Journal of Preventive Cardiology*. 2021;5:100149. DOI: 10.1016/j.ajpc.2021.100149
- Roulaud A, Masson D, Lagrost L, Vergès B, Gautier T, Bouillet B. Role of apolipoprotein C1 in lipoprotein metabolism, atherosclerosis and diabetes: a systematic review. *Cardiovascular Diabetology*. 2022;21(1):272. DOI: 10.1186/s12933-022-01703-5
- Sun Y, Zhang J, Guo F, Zhao W, Zhan Y, Liu C et al. Identification of Apolipoprotein C-I Peptides as a Potential Biomarker and its Biological Roles in Breast Cancer. *Medical Science Monitor*. 2016;22:1152–60. DOI: 10.12659/MSM.896531
- Yi J, Ren L, Wu J, Li W, Zheng X, Du G et al. Apolipoprotein C1 (APOC1) as a novel diagnostic and prognostic biomarker for gastric cancer. *Annals of Translational Medicine*. 2019;7(16):380. DOI: 10.21037/atm.2019.07.59
- Shi X, Wang J, Dai S, Qin L, Zhou J, Chen Y. Apolipoprotein C1 (APOC1): A Novel Diagnostic and Prognostic Biomarker for Cervical Cancer. *Oncotargets and Therapy*. 2020;13:12881–91. DOI: 10.2147/OTT.S280690
- Cui Y, Miao C, Hou C, Wang Z, Liu B. Apolipoprotein C1 (APOC1): A Novel Diagnostic and Prognostic Biomarker for Clear Cell Renal Cell Carcinoma. *Frontiers in Oncology*. 2020;10:1436. DOI: 10.3389/fonc.2020.01436
- Hu Y, Meuret C, Martinez A, Yassine HN, Nedelkov D. Distinct patterns of apolipoprotein C-I, C-II, and C-III isoforms are associated with markers of Alzheimer's disease. *Journal of Lipid Research*. 2021;62:100014. DOI: 10.1194/jlr.RA120000919
- Liu B, Ahmad W, Aronson NN. Structure of the human gene for lysosomal di-N-acetylchitobiase. *Glycobiology*. 1999;9(6):589–93. DOI: 10.1093/glycob/9.6.589
- Tognetti M, Sklodowski K, Müller S, Kamber D, Muntel J, Bruderer R et al. Biomarker Candidates for Tumors Identified from Deep-Profiled Plasma Stem Predominantly from the Low Abundant Area. *Journal of Proteome Research*. 2022;21(7):1718–35. DOI: 10.1021/acs.jproteome.2c00122
- Kilpatrick DC, Chalmers JD. Human L-Ficolin (Ficolin-2) and Its Clinical Significance. *Journal of Biomedicine and Biotechnology*. 2012;2012:1–10. DOI: 10.1155/2012/138797
- Szala A, Sawicki S, Swierko ASt, Szymraj J, Sniadecki M, Michalski M et al. Ficolin-2 and ficolin-3 in women with malignant and benign ovarian tumours. *Cancer Immunology, Immunotherapy*. 2013;62(8):1411–9. DOI: 10.1007/s00262-013-1445-3
- Hu Y -L., Luo F -L., Fu J -L., Chen T -L., Wu S -M., Zhou Y -D. et al. Early Increased Ficolin-2 Concentrations are Associated with Severity of Liver Inflammation and Efficacy of anti-Viral Therapy in Chronic Hepatitis C Patients. *Scandinavian Journal of Immunology*. 2013;77(2):144–50. DOI: 10.1111/sji.12014
- Jalal PJ, King BJ, Saeed A, Adedeji Y, Mason CP, Ball JK et al. Elevated serum activity of MBL and ficolin-2 as biomarkers for progression to hepatocellular carcinoma in chronic HCV infection. *Virology*. 2019;530:99–106. DOI: 10.1016/j.virol.2019.02.002
- Giraudi PJ, Salvoza N, Bonazza D, Saitta C, Lombardo D, Casagrande B et al. Ficolin-2 Plasma Level Assesses Liver Fibrosis in Non-Alcoholic Fatty Liver Disease. *International Journal of Molecular Sciences*. 2022;23(5):2813. DOI: 10.3390/ijms23052813
- Kinders R, Jones T, Root R, Bruce C, Murchison H, Corey M et al. Complement factor H or a related protein is a marker for transitional cell cancer of the bladder. *Clinical Cancer Research*. 1998;4(10):2511–20. PMID: 9796985
- Cheng Z-Z, Corey MJ, Pärepallo M, Majno S, Hellwage J, Zipfel PF et al. Complement Factor H as a Marker for Detection of Bladder Cancer. *Clinical Chemistry*. 2005;51(5):856–63. DOI: 10.1373/clinchem.2004.042192
- Lu G, Liu W, Huang X, Zhao Y. Complement factor H levels are decreased and correlated with serum C-reactive protein in late-onset Alzheimer's disease. *Arquivos de Neuro-Psiquiatria*. 2020;78(2):76–80. DOI: 10.1590/0004-282x20190151
- Hu WT, Watts KD, Taylor P, Nguyen TP, Howell JC, Lee RC et al. CSF complement 3 and factor H are staging biomarkers in Alzheimer's disease. *Acta Neuropathologica Communications*. 2016;4(1):14. DOI: 10.1186/s40478-016-0277-8
- Ingram G, Hakobyan S, Hirst CL, Harris CL, Pickersgill TP, Cossburn MD et al. Complement regulator factor H as a serum biomarker of multiple sclerosis disease state. *Brain*. 2010;133(6):1602–11. DOI: 10.1093/brain/awq085